



# David Palatinsky

## ● ESPERIENZA LAVORATIVA

**INTERNATO DI LAUREA MAGISTRALE – IRCCS MATERNO INFANTILE "BURLO GAROFOLO" – 01/10/2024 – 30/09/2025 – TRIESTE, ITALIA**

Attività di internato svolta presso il laboratorio di Diagnostica Avanzata Traslazionale dell'IRCCS Burlo Garofolo, finalizzata alla validazione funzionale di varianti a significato incerto in geni (CYCS, GP1BB) associati a piastrinopenie ereditarie.

Tecniche di laboratorio e software utilizzati:

- Manipolazione di colture cellulari in adesione e in sospensione;
- Manipolazione di acidi nucleici (clonaggio, mutagenesi sito-specifica, trasformazione di batteri competenti, estrazione di DNA plasmidico da batteri, trasfezione di cellule eucariotiche, estrazione di RNA da cellule eucariotiche, RT-PCR);
- Manipolazione di proteine (western-blot);
- Saggi enzimatici in vitro;
- Impiego del linguaggio di programmazione "R" per generare grafici da dati sperimentali;
- Impiego di tools bioinformatici per predire la patogenicità di una variante (Variant Effect Predictor), predirne l'effetto sullo splicing (SpliceAI e NNSplice), generare e visualizzare strutture tridimensionali di proteine (AlphaFold2 e ChimeraX), reperire sequenze da database pubblici ed eseguire allineamenti multipli di sequenza (Ensembl, UCSC Genome Browser, Blast, Clustal).

**TIROCINIO DI LAUREA TRIENNALE – UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI TRIESTE – 04/11/2021 – 28/01/2022 – TRIESTE, ITALIA**

Tirocinio svolto presso il laboratorio di bioinformatica del prof. Marco Gerdol, finalizzato all'individuazione dei geni codificanti Toll-like receptors (TLR) nel bivalve *Mytilus edulis* e alla loro suddivisione in sottofamiglie in funzione dei domini funzionali presenti, con l'obiettivo di costruire un albero filogenetico che illustri la diversità e la relazione evolutiva tra i TLR.

Software e tools bioinformatici utilizzati:

- UCSC Genome Browser
- Ensembl
- Blast
- HMMER
- SMART
- FigTree

## ● ISTRUZIONE E FORMAZIONE

03/10/2022 – 20/10/2025 Trieste, Italia

**LAUREA MAGISTRALE IN GENOMICA FUNZIONALE (LM-6) Università degli Studi di Trieste**

**Campo di studio** Biologia | **Voto finale** 110/110 |

**Tesi** Functional testing of novel variants identified in genes associated with inherited thrombocytopenias

01/10/2018 – 11/03/2022 Trieste, Italia

**LAUREA TRIENNALE IN SCIENZE E TECNOLOGIE BIOLOGICHE, CLASSE DI BIOTECNOLOGIE (L-2)**

Università degli Studi di Trieste

**Campo di studio** Biotecnologie | **Voto finale** 110/110 e lode |

**Tesi** Effetto fenotipico della presenza di larghe delezioni cromosomiche in emizigosi in uomo



16/09/2013 – 10/07/2018 Grosseto, Italia

**DIPLOMA DI MATURITÀ CLASSICA** Liceo Classico "Carducci-Ricasoli"

Voto finale 100/100

## COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: **ITALIANO**

Altre lingue:

	COMPRESIONE		ESPRESSIONE ORALE		SCRITTURA
	Ascolto	Lettura	Produzione orale	Interazione orale	
<b>INGLESE</b>	B2	B2	B2	B2	B2
<b>FRANCESE</b>	A1	A1	A1	A1	A1

*Livelli: A1 e A2: Livello elementare B1 e B2: Livello intermedio C1 e C2: Livello avanzato*

## COMPETENZE

### Competenze tecniche

Estrazione di plasmidi da colture batteriche | Manipolazione di acidi nucleici e PCR | Clonaggio e mutagenesi sito-specifica | Manipolazione di colture cellulari in adesione e in sospensione | Trasfezione di cellule | Estrazione e quantificazione di proteine | Western blot | Immunofluorescenza

### Competenze informatiche

Padronanza del pacchetto Office (Word, Excel, PowerPoint) | Conoscenza del linguaggio Markdown | Conoscenza del linguaggio di programmazione R | Programmi di allineamento di sequenze biologiche (BLAST, Clustal) | Padronanza di AlphaFold e ChimeraX per visualizzare strutture proteiche tridimensionali

Aggiornato il 13 gennaio 2026